

Algorithmen 1

Union-Find



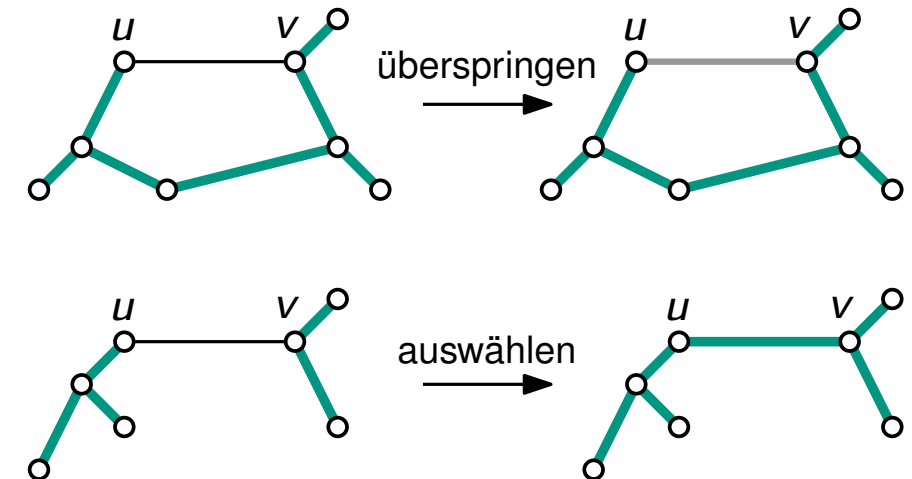
Motivation: Union–Find

Letzte Vorlesung: Algorithmus von Kruskal

- wähle in jedem Schritt minimale Kante
- unter allen Kanten, die keinen Kreis mit schon gewählten Kanten bilden

Was wollen wir erreichen?

- schnell testen ob $\{u, v\}$ Kreis schließt
- äquivalent: u und v liegen in der selben Komponente
- Einfügen einer Kante vereinigt zwei Komponenten
- gewünschte Operationen
 - **union**(u, v): vereinige Komponenten von u und v
 - **find**(v): Komponente* von v
- Test ob u und v in der selben Komponente liegen: **find**(u) = **find**(v)



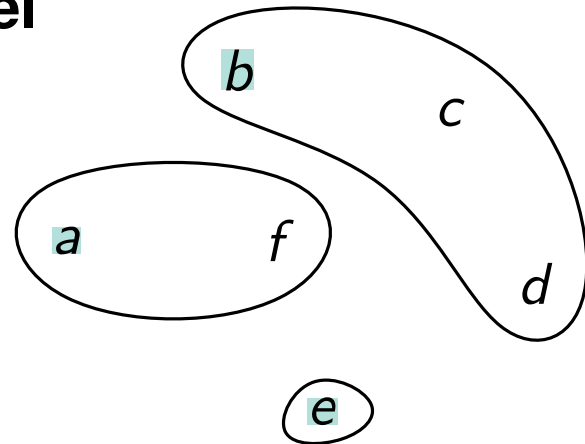
*Umsetzung: bestimme für jede Komponente einen eindeutigen Vertreter und gib diesen zurück

Union-Find

Etwas formaler (und ohne die Anwendung im Hinterkopf)

- Ausgangssituation: endliche Menge von disjunkten einelementigen Mengen
- Beispiel: $\{\{a\}, \{b\}, \{c\}, \{d\}, \{e\}, \{f\}, \{g\}\}$
- **union**(x, y): vereinige die Mengen, die x und y enthalten
- **find**(x): liefere einen eindeutigen Vertreter der Menge, die x enthält

Beispiel



○ Menge ■ Vertreter

union(a, f)

union(c, d)

find(a) $\rightarrow a$

find(f) $\rightarrow a$

find(c) $\rightarrow c$

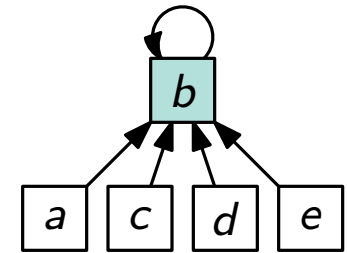
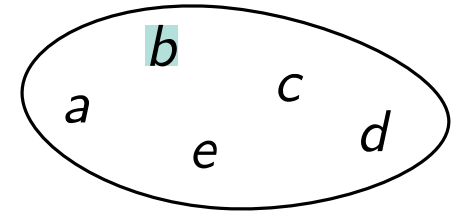
union(b, d)

find(c) $\rightarrow b$

Vorüberlegung: maximale Ordnung

Fokus auf **find**: Was hätten wir gerne?

- optimal: jedes Element kennt den Vertreter der eigenen Menge
- Verzeigerte Struktur
 - jedes Element ist ein Knoten
 - jeder Knoten hat einen Zeiger zum Vertreter der Menge
- **find**: nur einen Zeiger verfolgen $\rightarrow \Theta(1)$



Problem für **union**

- alle Elemente aus einer der beiden Mengen müssen umgehängt werden $\rightarrow \Theta(n)$
- maximale Ordnung aufrecht zu erhalten ist teuer

Lösung: erlaube etwas Unordnung

- weniger Zeiger umhängen \rightarrow schnelles **union**
- kein direkter Zeiger zum Vertreter \rightarrow langsames **find**
- Ziel: genug Ordnung, dass **find** weiterhin schnell ist

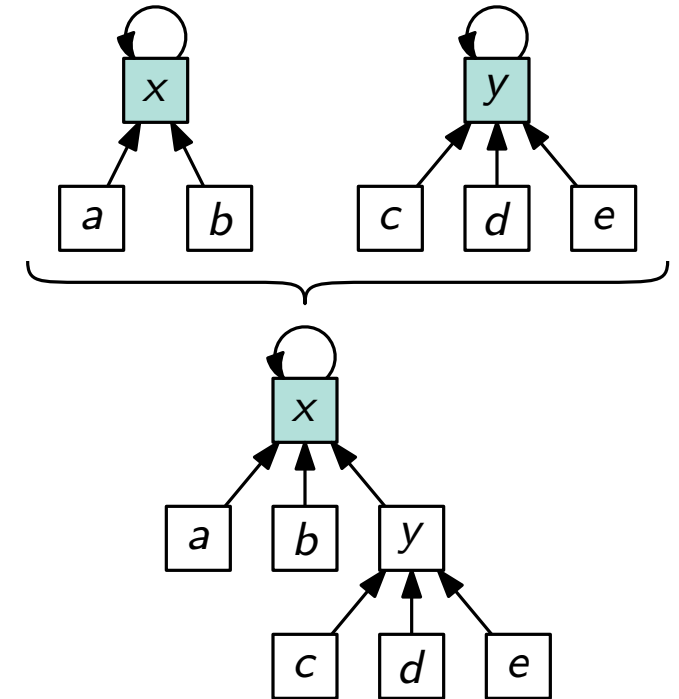
Erinnerung: Operationen

- **union**(x, y): vereinige die Mengen, die x und y enthalten
- **find**(x): liefere einen eindeutigen Vertreter der Menge, die x enthält

Schnelleres Union: erlaube etwas Unordnung

Plan für schnelles union

- Situation: vereinige X und Y mit Vertretern $x \in X$ und $y \in Y$
- wähle x als neuen Vertreter von $X \cup Y$
- neuer Zeiger: $y \rightarrow x$
- für alle anderen $y' \in Y$: behalte Zeiger zu y



Mehr Aufwand für find

- verfolge ggf. mehrere Zeiger, um den Vertreter zu finden
- Hoffnung: die Pfade von Zeigern werden nicht so lang

Worst-Case Kosten und Baumhöhe

- resultierender Baum hat Höhe $h \rightarrow$ Kosten $O(h)$ pro Operation
- Plan: wähle neuen Vertreter, sodass Höhe möglichst klein

Was genau machen wir jetzt?

Repräsentation der Menge als gewurzelten Wald

- jeder Baum gehört zu einer Menge
- Wurzel jedes Baums ist der Vertreter der Menge

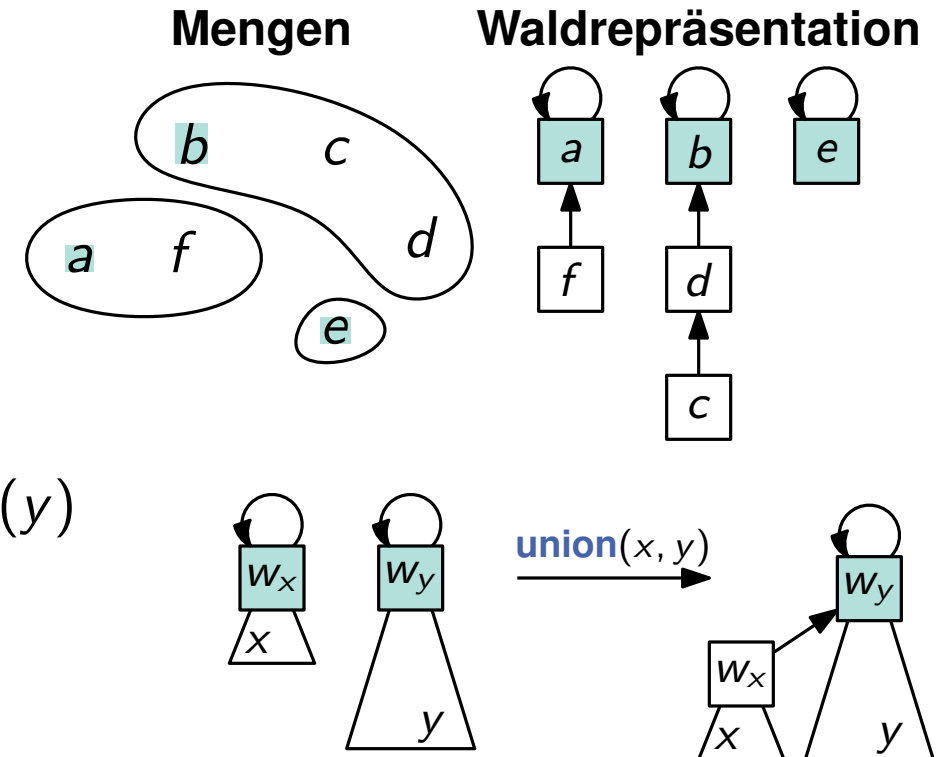
find(x): verfolge Zeiger zum Elter bis zur Wurzel

union(x, y)

- finde zunächst Wurzeln: $w_x = \mathbf{find}(x)$ und $w_y = \mathbf{find}(y)$
- seien h_x und h_y die Höhen der Bäume
- o.B.d.A. $h_x \leq h_y \rightarrow$ füge w_x als Kind von w_y ein

Anmerkungen

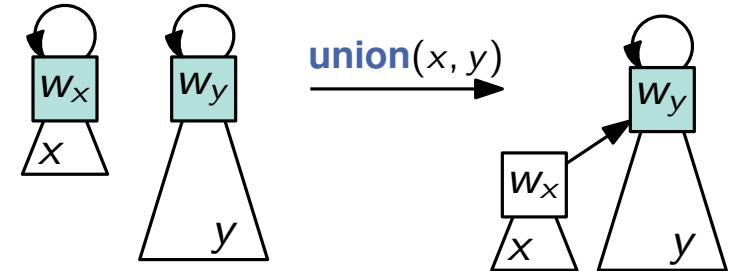
- speichere Höhe des Baums an der Wurzel \rightarrow ggf. update bei **union**
- Laufzeit: dominiert durch die Höhe bei **find**



Höhe des Baumes

union(x, y)

- finde zunächst Wurzeln: $w_x = \text{find}(x)$ und $w_y = \text{find}(y)$
- seien h_x und h_y die Höhen der Bäume
- o.B.d.A. $h_x \leq h_y \rightarrow$ füge w_x als Kind von w_y ein

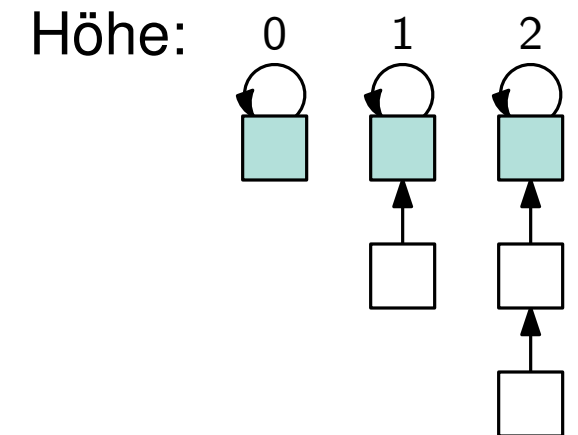


Lemma

Ein solcher Baum der Höhe h enthält mindestens 2^h Knoten. Damit gilt $h \in O(\log n)$.

Beweis: Induktion über h

- Anfang: $h = 0 \Rightarrow 1 = 2^0$ Knoten
- Höhe $h + 1$ entsteht nur durch **union** zweier Bäume der Höhe h
- nach Induktionsvoraussetzung: mindestens $2 \cdot 2^h = 2^{h+1}$ Knoten



Geht es besser?

Theorem

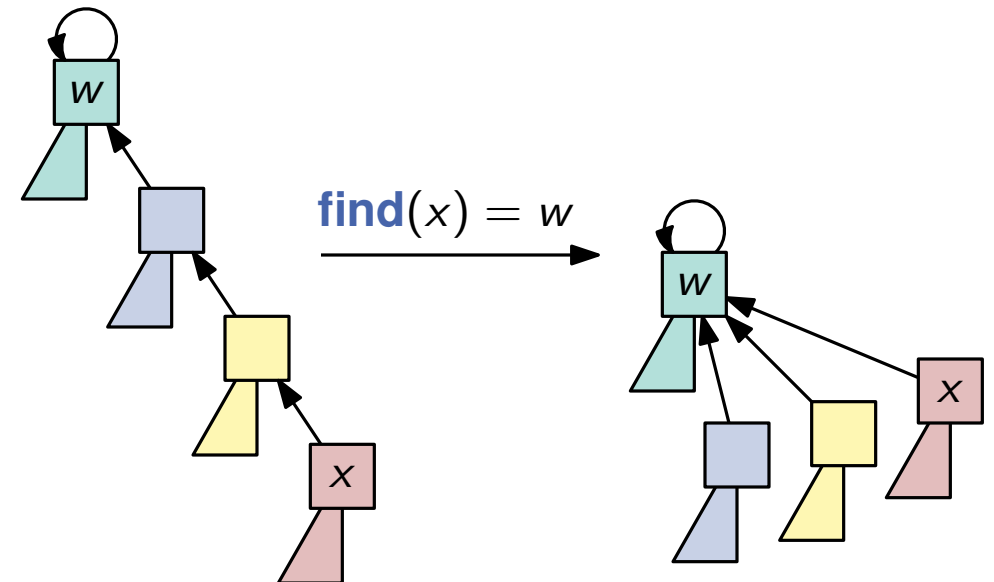
Es gibt eine Union–Find Datenstruktur, bei der **union** und **find** je $O(\log n)$ Zeit benötigen.

Idee

- Höhe verringern durch gelegentliches Aufräumen
- optimal: alle Knoten sind direkte Kinder der Wurzel
- Aufräumen \equiv Knoten direkt an die Wurzel hängen

find(x) mit Pfadkompression

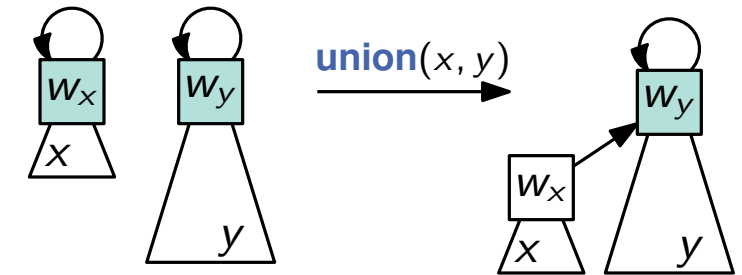
- sei π der Pfad von x zur Wurzel w
- hänge jeden Knoten auf π direkt an w
- asymptotisch keine zusätzlichen Kosten für **find**(x)
- aber: spätere Aufrufe von **find** ggf. schneller



Union by Rank

Problem

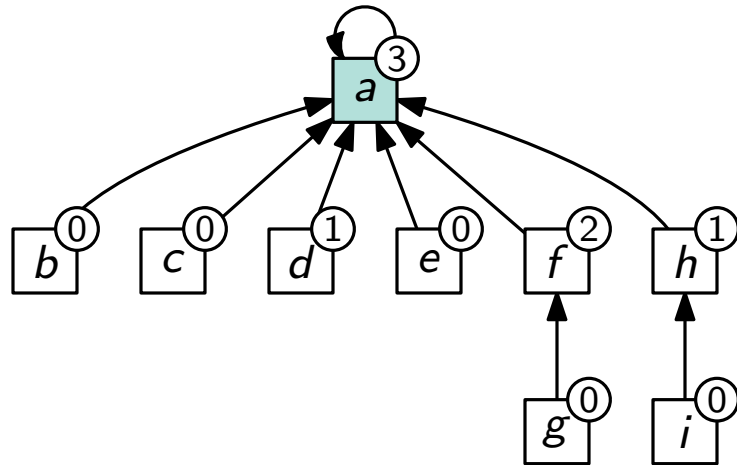
- Pfadkompression verringert ggf. die Höhe des Baumes, ohne dass wir es merken
- bei späteren **union** Operationen kennen wir ggf. nicht die korrekte Höhe
- **union** nutzt die Höhe um zu entscheiden, welcher Baum unter welchen gehängt wird



Gar nicht schlimm

- nenne die in der Wurzel gespeicherte Zahl nicht Höhe, sondern **Rang**
- **union** wie bisher: hänge Wurzel mit kleinerem Rang an Wurzel mit größerem Rang
- es gilt weiterhin: Teilbaum unter Wurzel w mit Rang r hat mindestens 2^r Knoten
- außerdem: Teilbaum unter einem Knoten mit Rang r hat höchstens Höhe r

Beispiel



Operationen

union(a, b)

union(b, c)

union(d, e)

union(f, g)

union(h, i)

union(a, d)

union(f, h)

find(e)

union(a, f)

find(h)

Tiebreaker

- **union** zwei Wurzeln mit gleichem Rang
- wähle alphabetisch kleineren Knoten als Wurzel

Laufzeitanalyse: Grundlegende Invarianten

Lemma

Jeder Knoten hat einen größeren Rang als jedes seiner Kinder.

Lemma

Es gibt höchstens $n/2^r$ Knoten mit Rang gleich r .

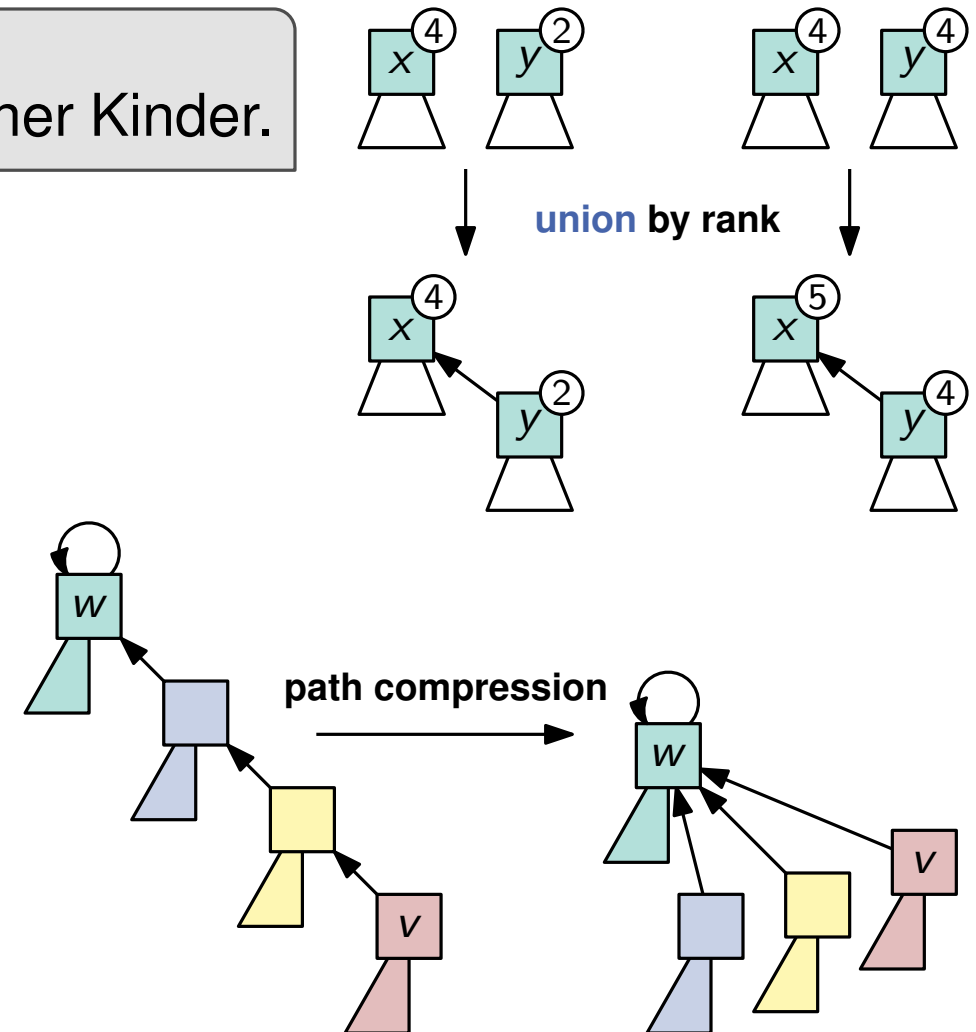
Lemma

Es gibt höchstens $n/2^r$ Knoten mit Rang größer r .

Beweis

- bilde Summe über alle größeren Ränge:

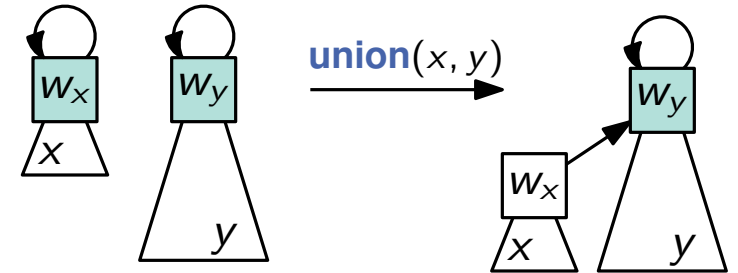
$$\sum_{i>r} \frac{n}{2^i} \leq 2 \cdot \frac{n}{2^{r+1}} = \frac{n}{2^r}$$



Laufzeitanalyse: neue Operation **link**

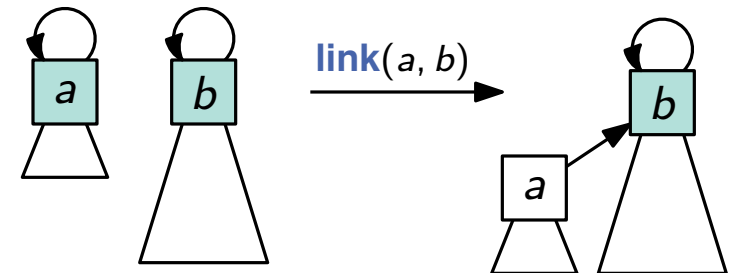
Die drei Schritte von **union**(x, y)

- $w_x = \mathbf{find}(x)$
- $w_y = \mathbf{find}(y)$
- hänge w_x unter w_y oder umgekehrt



Neue Operation: **link**

- genauso wie **union**, aber nur für Wurzeln
- die beiden **find** Operationen fallen dann weg



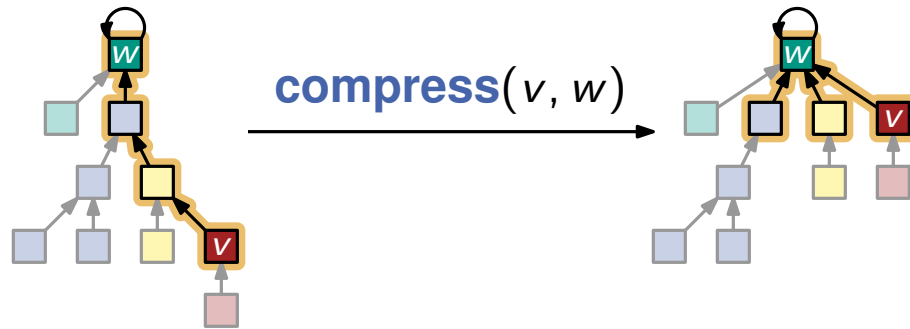
Warum machen wir das?

- Plan: analysiere Kosten für **union** und **find** getrennt voneinander
- Problem: lässt sich kaum trennen, wenn jedes **union** zwei Mal **find** ausführt
- Lösung: ersetze Sequenz von n **union** und m **find** durch n **link** und $2n + m$ **find**

Laufzeitanalyse: neue Operation **compress**

Die zwei Schritte von **find**(v)

- Finden der Wurzel w
- Kompression des Pfades von v nach w \rightarrow bezeichne diesen Schritt mit **compress**(v, w)



Grundsätzliches Vorgehen

- Ziel: Analysiere Laufzeit von Algo A
- analysiere stattdessen einen anderen Algo B
- zeige: Laufzeit von A ist nicht größer als die von B
- damit: Laufzeit von B gibt Schranke an Laufzeit von A

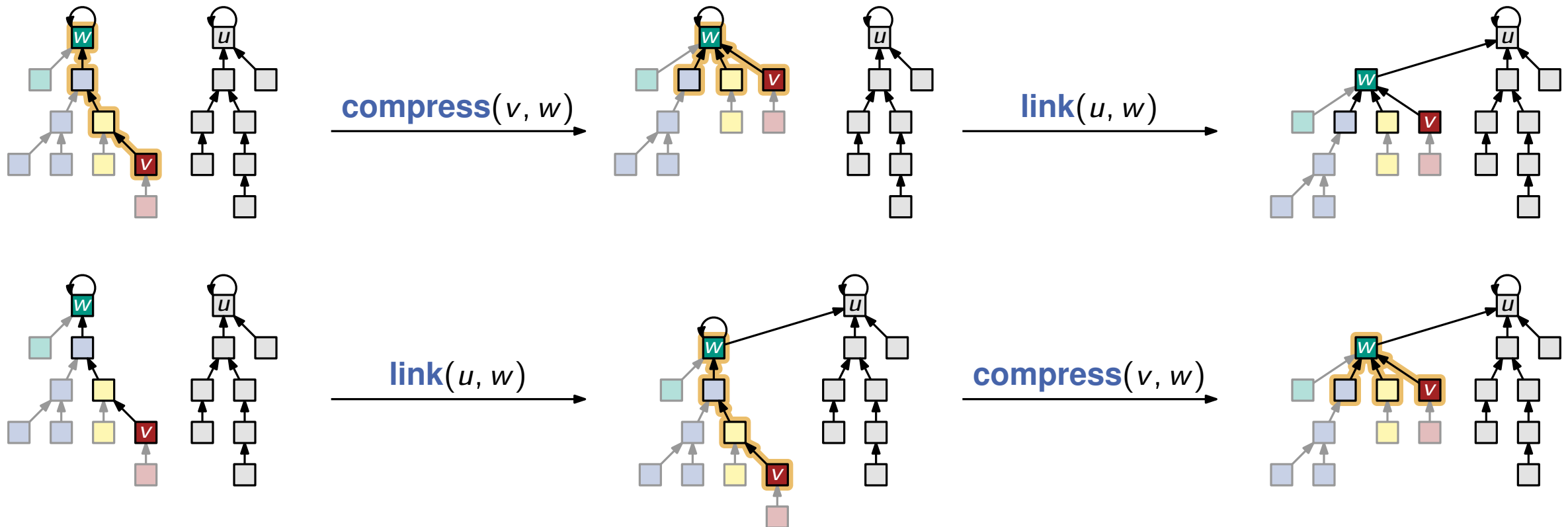
Betrachte **compress** statt **find**

- ersetze in Folge von **link** und **find** Operationen jedes **find** durch passendes **compress**
- beachte: resultierende Folge liefert zu jedem Zeitpunkt die selbe Datenstruktur
- außerdem: asymptotische Laufzeit bleibt gleich
- gleich: sortiere **compress** nach hinten

Laufzeitanalyse: Umsortieren der Operationen

Tausche **compress** nach hinten

- Ergebnis und Laufzeit werden durch den Tausch nicht geändert
- wir können annehmen: zunächst alle **link** und dann alle **compress** Operationen



Laufzeitanalyse: Zwischenstand

Umbau der Folge von Operationen

- eigentlich: n **union** und m **find** in beliebiger Reihenfolge
 - stattdessen: n **link** gefolgt von $2n + m$ **compress**
- } machen sehr unterschiedliche Dinge,
aber: selbe asymptotische Laufzeit

Die n **link** Operationen

- **link** läuft in Konstanter Zeit $\rightarrow \Theta(n)$
- Ergebnis: Wald mit höchstens $N = 2n$ nicht-isolierten Knoten

Was wir noch tun müssen

- analysiere $M = 2n + m$ **compress** Operationen auf einem Wald mit N Knoten

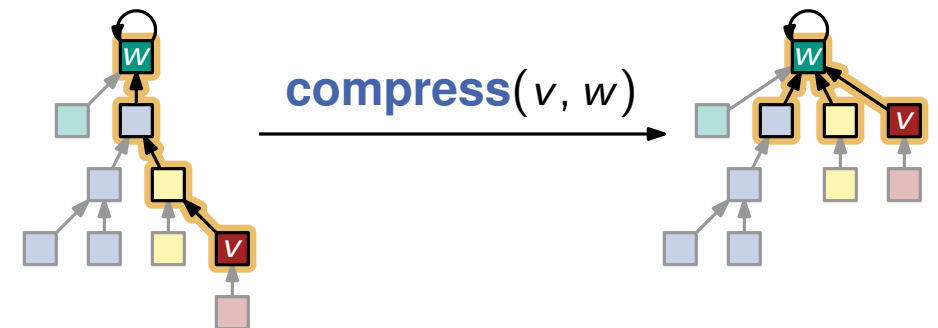
Invarianten für die Ränge der Knoten

Lemma

Jeder Knoten hat einen größeren Rang als jedes seiner Kinder.

Lemma

Es gibt höchstens $N/2^r$ Knoten mit Rang größer r .



Laufzeitanalyse: Einteilung in Ranggruppen

Gruppen von Rängen

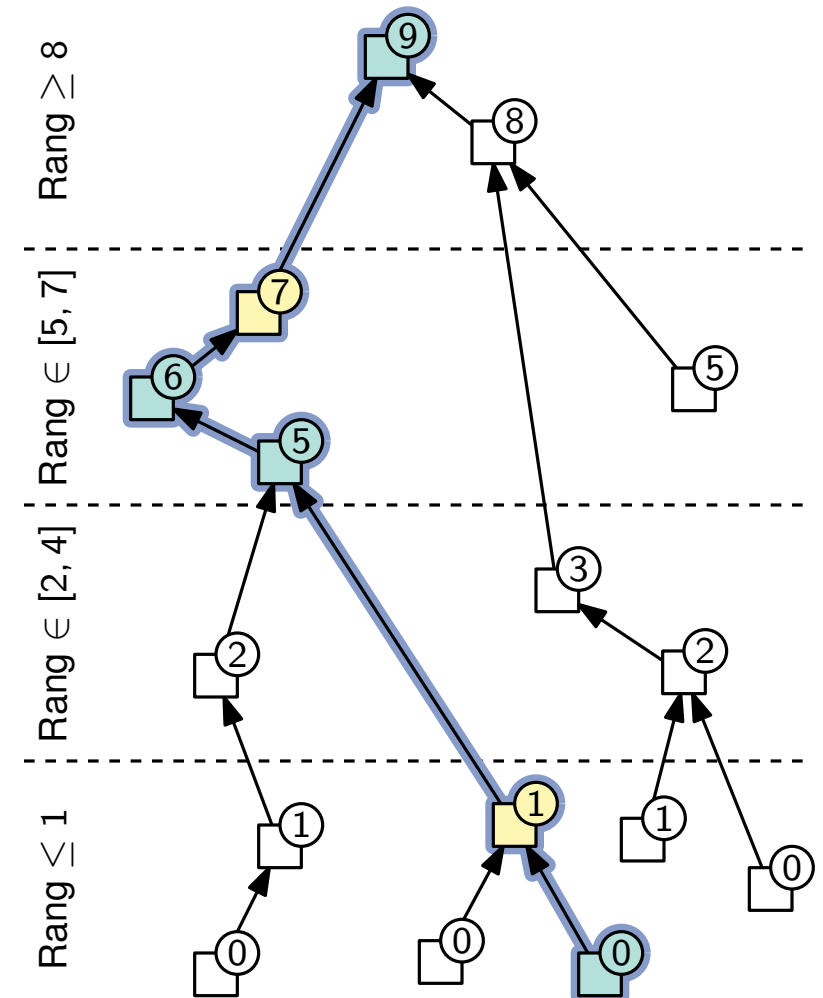
- gruppierere Knoten nach ihrem Rang in k Gruppen
- zwei Typen von Knoten bei einem **compress**-Pfad
 - Typ 1: Elter ist in der selben Gruppe
 - Typ 2: Elter ist in einer höheren Gruppe

Wie oft hängen wir Typ 2 Knoten um?

- höchstens k Typ 2 Knoten pro **compress**
- M mal **compress** \rightarrow insgesamt $O(kM)$ Zeit

Wie oft hängen wir Typ 1 Knoten um?

- betrachte beliebigen Knoten v
- v wird umgehängt \rightarrow neuer Elter hat größeren Rang
- kleiner Bereich von Rängen pro Gruppe
 - $\rightarrow v$ kann nicht oft Typ 1 sein bevor v Typ 2 wird



Laufzeitanalyse: Type 1 Operationen

Lemma

Sei Gruppe i die Menge aller Knoten mit Rang in $(r_i, r_{i-1}]$ für $r_0 > r_1 > \dots > r_k$. In jeder Folge von **compress** Operationen werden insgesamt höchstens $N \cdot \frac{r_{i-1}}{2^{r_i}}$ Knoten aus Gruppe i von Typ 1 umgehängt.

Beweis

Lemma

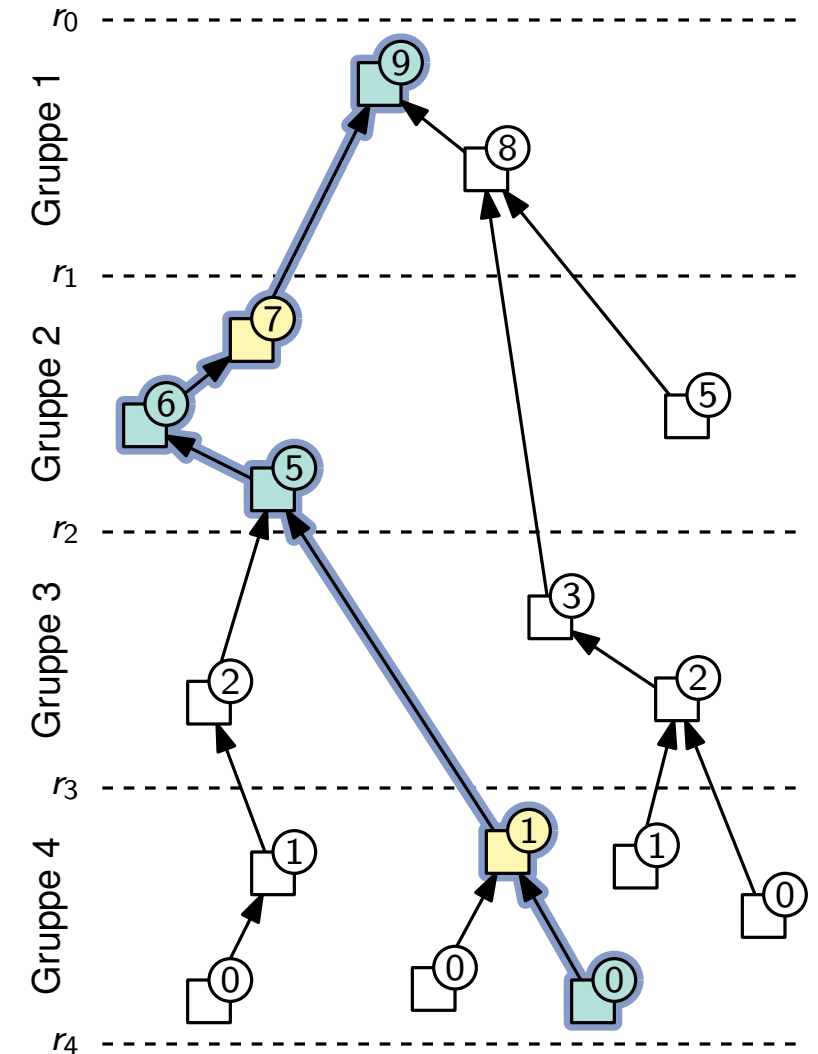
Jeder Knoten hat einen größeren Rang als jedes seiner Kinder.

- v wird umgehängt \rightarrow neuer Elter hat größeren Rang
- jeder Knoten in Gruppe i ist höchstens r_{i-1} mal Typ 1

Lemma

Es gibt höchstens $N/2^r$ Knoten mit Rang größer r .

- jeder Knoten in Gruppe i hat Rang größer r_i
- davon gibt es höchstens $N/2^{r_i}$ viele



Laufzeitanalyse: Wahl der Gruppen

Lemma

Es werden insgesamt höchstens $N \cdot \frac{r_{i-1}}{2^{r_i}}$ Knoten aus Gruppe i von Typ 1 umgehängt. (N : Anzahl Knoten)

Lemma

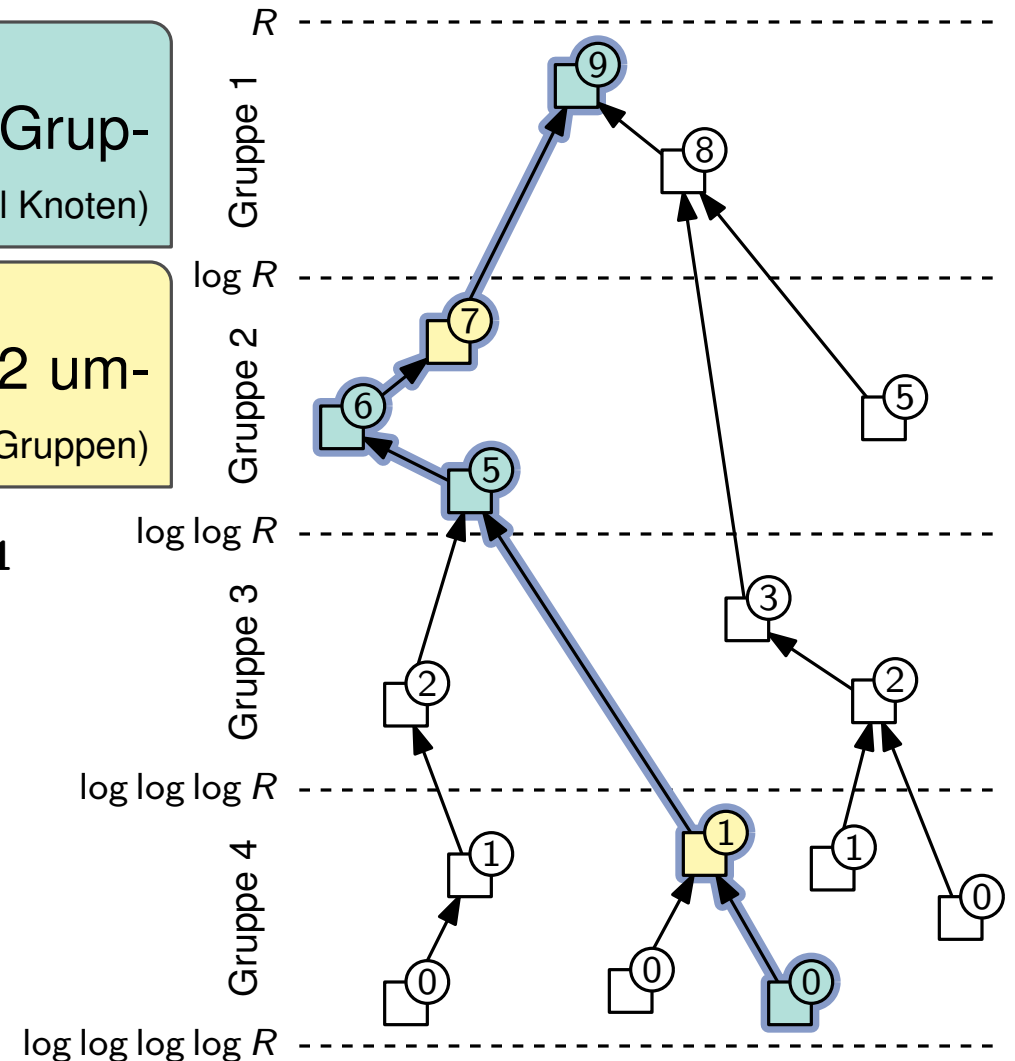
Es werden insgesamt nur $O(kM)$ Knoten von Typ 2 umgehängt. (M : Anzahl **compress** Operationen, k : Anzahl Gruppen)

Wähle: $r_0 = R$ (maximaler Rang) und $r_i = \log r_{i-1}$

- dann: Kosten für Typ 1 in Gruppe i in $O(N)$
- Typ 1 insgesamt: $O(kN)$

Wie viele Gruppen bekommen wir dann?

- Nach wie vielen \log ist das Ergebnis ≤ 1 ?
- diese Anzahl heißt **iterierten Logarithmus** $\log^* R$
- beachte: $R \in O(\log N)$



Laufzeitanalyse

Folgerung

Eine Folge von M **compress** Operationen in einem Wald mit N Knoten benötigt nur $O((N + M) \log^* N)$ Umhängeoperationen.

Zurück zu **union** und **find**

- was wir analysieren wollten: n **union** und m **find** Operationen
- was wir analysiert haben:
 - n **link** \rightarrow liefert Wald mit höchstens $N = 2n$ Knoten in $\Theta(n)$ Zeit
 - $M = 2n + m$ **compress** auf Wald mit N Knoten in $O((N + M) \log^* N)$
- wir wissen: **union**, **find**-Folge hat gleiche Laufzeit wie **link**, **compress**-Folge

Theorem

Eine beliebige Folge von n **union** und m **find** Operationen mit Union-by-Rank und Pfadkompression benötigt $O((n + m) \log^* n)$ Zeit. Also amortisiert $O(\log^* n)$ pro Operation.

Wie cool ist das denn?

Theorem

Eine beliebige Folge von n **union** und m **find** Operationen mit Union-by-Rank und Pfadkompression benötigt $O((n + m) \log^* n)$ Zeit. Also amortisiert $O(\log^* n)$ pro Operation.

Wie schnell wächst $\log^*(n)$?

- betrachte Potenzturm der Höhe k : $n = 2^{2^{\dots^2}}$
- dann gilt: $\log^* n = k$
- mit größer werdendem k wächst n extrem schnell
 → mit größer werdendem n wächst $\log^* n$ extrem langsam

Zum Vergleich

- für $n \in (65\,536, 2^{65\,536}]$ gilt $\log^* n = 5$ und $\log n \in (16, 65\,536]$
- $2^{65\,536} > 10^{19\,728}$
- das beobachtbare Universum hat zwischen 10^{78} und 10^{82} Atome

Zusammenfassung

Union–Find

- sehr nützliche Datenstruktur
- in vielen Programmiersprachen (z.B. C++, Java) nicht Teil des Standards
- aber: nicht so schwer selbst zu implementieren (Analyse kompliziert, Algo selbst leicht)

Laufzeitanalyse

- spannende Technik: baue den Algorithmus zum Zweck der Analyse um
- der analysierte Algo macht ggf. gar nicht das gewünschte oder ist nicht umsetzbar
- aber: die Analyse des anderen Algos liefert trotzdem Schranke für den eigentlichen Algo

Ausblick: Da geht noch was

- kann verbessert werden auf amortisierte Laufzeit $\Theta(\alpha(n))$ pro Operation (das ist tight)
- $\alpha(n)$: inverse Ackermannfunktion
- $\alpha(n)$ wächst noch langsamer als $\log^* n$